

**PROCEDURA SELETTIVA PUBBLICA PER LA COPERTURA DI N. 1 POSTO DI RICERCATORE UNIVERSITARIO A TEMPO DETERMINATO MEDIANTE STIPULA DI UN CONTRATTO DI LAVORO SUBORDINATO DELLA DURATA DI TRE ANNI AI SENSI DELL'ART. 24, COMMA 3, LETT. B) DELLA LEGGE 30.12.2010 N. 240 PRESSO IL DIPARTIMENTO DI BIOSCIENZE
SETTORE CONCORSUALE 05/I1
SETTORE SCIENTIFICO-DISCIPLINARE BIO/18 - Genetica
CODICE CONCORSO 4762**

**VERBALE N. 2
(Esame preliminare dei titoli, dei curriculum
e della produzione scientifica dei candidati)**

La Commissione giudicatrice della procedura selettiva a n1. posto di ricercatore universitario a tempo determinato ai sensi dell'art. 24, comma 3, lett. b) della Legge 30.12.2010 n. 240 per il settore concorsuale 05/I1, settore scientifico-disciplinare BIO/18 presso il Dipartimento di BIOSCIENZE, composta dai:

Prof. Chiara Tonelli	dell'Università degli Studi di Milano (Presidente)
Prof. Michele Morgante	dell'Università degli Studi di Udine
Prof. Viola Calabrò	dell'Università degli Studi di Napoli (Segretario)

si riunisce al completo per via telematica tramite la piattaforma TEAMS il giorno 17/9/2021 alle ore 10.30 per predeterminare i criteri di massima e le procedure per la valutazione dei candidati.

In apertura di seduta il Presidente della Commissione dà lettura del messaggio di posta elettronica con il quale il Responsabile delle procedure comunica che in data 10/9/2021 si è provveduto alla pubblicizzazione dei criteri stabiliti dalla Commissione nella riunione del 9/9/2021 mediante pubblicazione sul sito web dell'Ateneo.

La Commissione prende visione dell'elenco dei candidati, che risultano essere:

CAMPIGLI DI GIAMMARTINO Dafne
PALAZZO Antonio
PERRELLA Giorgio
ZIBETTI Cristina

Ciascun commissario dichiara che non sussistono situazioni di incompatibilità, ai sensi degli artt. 51 e 52 c.p.c. e dell'art. 5, comma 2, del D.lgs. 1172/1948, con i candidati. Dichiara inoltre di non trovarsi in alcuna situazione di conflitto di interessi, anche potenziale, con i candidati ai sensi della Legge 190/2012. Ciascun Commissario sottoscrive apposita dichiarazione che si allega al presente verbale.

Constatato che, come previsto dal bando, sono trascorsi almeno 5 giorni dalla pubblicizzazione dei criteri, la Commissione può legittimamente proseguire i lavori con l'esame dei titoli e delle pubblicazioni scientifiche presentate dai candidati.

Successivamente verifica che le pubblicazioni scientifiche inviate agli uffici corrispondono all'elenco delle stesse allegate alle domande dei candidati. La Commissione, ai fini della presente selezione, prende in considerazione esclusivamente pubblicazioni o testi accettati per la pubblicazione secondo le norme

vigenti nonché saggi inseriti in opere collettanee e articoli editi su riviste in formato cartaceo o digitale con esclusione di note interne o rapporti dipartimentali. La tesi di dottorato (o equipollenti) è presa in considerazione anche in assenza delle condizioni sopra menzionate.

Vengono quindi prese in esame le pubblicazioni redatte in collaborazione con i commissari della presente procedura di valutazione o con altri coautori non appartenenti alla Commissione, al fine di valutare l'apporto di ciascun candidato.

La commissione rileva che nessun candidato ha pubblicazioni in collaborazione con i commissari della presente selezione.

Successivamente dopo attenta analisi comparata dei lavori svolti in collaborazione tra il candidato **CAMPIGLI DI GIAMMARTINO Dafne** ed altri coautori la Commissione rileva che i contributi scientifici del candidato sono enucleabili e distinguibili (tenuto conto, ad esempio, anche dell'attività scientifica globale sviluppata dal candidato, la Commissione ritiene che vi siano evidenti elementi di giudizio per individuare l'apporto dei singoli coautori) e unanimemente delibera di ammettere alla successiva valutazione di merito i seguenti lavori:

1. Pelham-Webb B, Polyzos A, Wojenski L, Kloetgen A, Li J, **Di Giammartino** DC, Sakellaropoulos T, Tsigirgos A, Core L and Apostolou E. H3K27ac bookmarking promotes rapid post-mitotic activation of the pluripotent stem cell program without impacting 3D chromatin reorganization. **Molecular Cell** 81: 1732-1748, 2021
2. **Di Giammartino** DC, Polyzos A, Apostolou E. Transcription factors: building hubs in the 3D space. **Cell Cycle** 12:1-16, 2020
3. Lhoumaud P, Sethia G, Izzo F, Sakellaropoulos T, Snetkova V, Vidal S, Badri S, Cornwell M, **Di Giammartino** DC, Kim K, Apostolou E, Stadtfeld M, Landau D, Skok J. EpiMethylTag simultaneously detects ATAC-seq or ChIP-seq signals with DNA methylation. **Genome Biology** 20:248, 2019
4. **Di Giammartino** DC*, Kloetgen A*, Polyzos A*, Liu Y, Kim D, Murphy D, Abuhashem A, Cavaliere P, Aronson B, Shah V, Dephoure N, Stadtfeld M, Tsigirgos A, Apostolou E. KLF4 is involved in the organization and regulation of pluripotency-associated 3D enhancer networks. **Nature Cell Biology** 21:1179-1190, 2019
5. Seruggia D, Oti M, Tripathi P, Canver MC, LeBlanc L, **Di Giammartino** DC, Bullen MJ, Nefzger CM, Sun YBY, Farouni R, Polo JM, Pinello L, Apostolou E, Kim J, Orkin SH, Das PP. TAF5L and TAF6L maintain self-renewal of embryonic stem cells via the MYC regulatory network. **Molecular Cell** 74:1148-1163, 2019
6. Liu Y*, Pelham-Webb B*, **Di Giammartino** DC *, Li J, Kim D, Kita K, Saiz N, Garg V, Doane A, Giannakakou P, Hadjantonakis AK, Elemento O, Apostolou E. Widespread mitotic bookmarking by histone marks and transcription factors in pluripotent stem cells. **Cell Reports** 19:1283-93 (*equal contribution), 2017
7. **Di Giammartino** DC, Apostolou E. The chromatin signature of pluripotency: establishment and maintenance. **Current Stem Cell Reports** 2:255-62, 2016
8. **Di Giammartino** D.C., Li W., Yashinskij J., Tian B., Manley J.L. RBBP6 is a human polyadenylation factor that regulates mRNAs with AU-rich 3'UTRs. **Genes & Development** 28:2248-60, 2014
9. **Di Giammartino** D.C., Shi Y, Manley J.L. PARP1 represses PAP and inhibits polyadenylation during heat shock. **Molecular Cell** 49:7-17, 2013
10. Chan A.L., Grossman T., Zuckerman V., Campigli **Di Giammartino** D., Moshel O., Scheffner M., Monahan B., Pilling P., Jiang Y.H., Haupt S., Schueler-Furman O., Haupt Y. c-Abl phosphorylates E6AP and regulates its E3 ubiquitin ligase activity. **Biochemistry** 52:3119-29, 2013
11. **Di Giammartino** D.C., Nishida K., Manley J.L. Mechanisms and consequences of alternative polyadenylation. **Molecular Cell** 43:853-66, 2011
12. **Di Giammartino** D.C., Nishida K., Manley J.L. Mechanisms and consequences of alternative polyadenylation. **Molecular Cell** 43:853-66, 2011 12. Shi Y., Di Giammartino D.C., Taylor D., Sharkeshik A., Rice W.J., Yates JR 3rd, Frank J., Manley J.L. Molecular architecture of the human pre-mRNA 3' processing complex. **Molecular Cell** 33:365-7, 2009

Successivamente dopo attenta analisi comparata dei lavori svolti in collaborazione tra il candidato **PALAZZO Antonio** ed altri coautori la Commissione rileva che i contributi scientifici del candidato sono enucleabili e distinguibili (tenuto conto, ad esempio, anche dell'attività scientifica globale sviluppata dal candidato, la Commissione ritiene che vi

siano evidenti elementi di giudizio per individuare l'apporto dei singoli coautori) e unanimemente delibera di ammettere alla successiva valutazione di merito i seguenti lavori:

- 1) The Interaction between Reactive Peritoneal Mesothelial Cells and Tumor Cells via Extracellular Vesicles Facilitates Colorectal Cancer Dissemination. Serrati S, Porcelli L, Fragassi F, Garofoli M, Di Fonte R, Fucci L, Iacobazzi RM, **Palazzo A**, Margheri F, Cristiani G, Albano A, De Luca R, Altomare DF, Simone M, Azzariti A. **Cancers** (Basel). 2021 May 20;13(10):2505. doi: 10.3390/cancers13102505.
- 2) Long Non-Coding RNA Landscape in Prostate Cancer Molecular Subtypes: A Feature Selection Approach. De Summa S, **Palazzo A**, Caputo M, Iacobazzi RM, Pilato B, Porcelli L, Tommasi S, Paradiso AV, Azzariti A. **Int J Mol Sci**. 2021 Feb 23;22(4):2227. doi: 10.3390/ijms22042227.
- 3) A genomic survey of Tc1-mariner transposons in nematodes suggests extensive horizontal transposon transfer events. **Palazzo A**, Escuder E, D'Addabbo P, Lovero D, Marsano RM. **Mol Phylogenet Evol**. 2021 May; 158:107090. doi: 10.1016/j.ympev.2021.107090. Epub 2021 Feb 2. PMID: 33545274.
- 4) Transposable elements: a jump toward the future of expression vectors (Review). **Palazzo A**, Marsano RM. **Crit Rev Biotechnol**. 2021 Aug;41(5):792-808. doi: 10.1080/07388551.2021.1888067. Epub 2021 Feb 23.
- 5) What You Need, Baby, I Got It": Transposable Elements as Suppliers of Cis-Operating Sequences in Drosophila (Review). Moschetti, R., **Palazzo, A.**, Lorusso, P., Viggiano, L., Marsano, R.M. **Biology**, Feb 2020. DOI: 10.3390/biology9020025
- 6) A single amino acid switch converts the Sleeping Beauty transposase into an efficient unidirectional excisionase with utility in stem cell reprogramming. Kesselring, L., Miskey, C., Zuliani, C., Querques, I., Kapitonov, V., Laukó, A., Fehér, A., **Palazzo, A.**, Diem, T., Lustig, J., Sebe, A., Wang, Y., Dinnyés, A., Izsvák, Z., Barabas, O., Ivics, Z. **Nucleic Acids Research**, Jan 2020. DOI: 10.1093/nar/gkz1119
- 7) Transcriptionally promiscuous "blurry" promoters in Tc1-mariner transposons allow transcription in distantly related genomes. **Palazzo, A.**, Lorusso, P., Miskey, C., Walisko, O., Gerbino, A., Marobbio, C.M.T., Ivics, Z., Marsano, R.M. **Mobile DNA**, Oct 2019. DOI: 10.1186/s13100-019-0155-6
- 8) The comparative genomics and complex population history of Papio baboons. Jeffrey Rogers, and the Baboon Genome Analysis Consortium. Science Advance. 2019 Jan 30;5(1). Doi: 10.1126/sciadv.aau6947.
- 9) Does the Promoter Constitute a Barrier in the Horizontal Transposon Transfer Process? Insight from Bari Transposons. **Palazzo A**, Caizzi R, Viggiano L, Marsano RM. **Genome Biol Evol**. 2017 Jun 1;9(6):1637-1645. doi: 10.1093/gbe/evx122
- 10) Identification of Bari Transposons in 23Sequenced Drosophila Genomes Reveals Novel Structural Variants, MITEs and Horizontal Transfer. **Palazzo A**, Lovero D, Moschetti R, Caizzi R, Marsano RM. **PLoS ONE** 2016 May 23; doi:10.1371/journal.pone.0156014.
- 11) The Drosophila mojavensis Bari3 transposon: distribution and functional characterization. **Palazzo A**, Moschetti R, Caizzi R, Marsano RM. **Mobile DNA**, 2014, July, 8; doi:10.1186/1759-8753-5-21.
- 12) Functional characterization of the Bari1 transposition system. Palazzo A, Marconi S, Specchia V, Bozzetti MP, Ivics Z, Caizzi R, Marsano RM. **Plos One**, 2013 Nov 14. DOI: 10.1371/journal.pone.0079385

Successivamente dopo attenta analisi comparata dei lavori svolti in collaborazione tra il candidato **PERRELLA Giorgio** ed altri coautori la Commissione rileva che i contributi scientifici del candidato sono enucleabili e distinguibili (tenuto conto, ad esempio, anche dell'attività scientifica globale sviluppata dal candidato, la Commissione ritiene che vi siano evidenti elementi di giudizio per individuare l'apporto dei singoli coautori) e unanimemente delibera di ammettere alla successiva valutazione di merito i seguenti lavori:

1. **G Perrella**, FM Consiglio, RA Cigliano, G Cremona, E Sanchez-Moran, L Barra, A Errico, RA Bressan, FCH Franklin and C Conicella (2010). Histone Hyperacetylation affects meiotic recombination and chromosome segregation in Arabidopsis. **Plant J**. 62:796-806. <https://doi.org/10.1111/j.1365-313X.2010.04191.x>
2. E Sani, P Herzyk, **G Perrella**, V Colot, A Amtmann (2013) Hyperosmotic priming of Arabidopsis seedlings establishes a long-term somatic memory accompanied by specific changes of the epigenome. **Genome Biol**. 14(6): R59. <https://doi.org/10.1186/gb-2013-14-6-r59>.
3. RA Cigliano, G Cremona, R Paparo, P Termolino, **G Perrella**, R Gutzat, FM Consiglio, C Conicella (2013). Histone deacetylase AtHDA7 is required for female gametophyte and embryo development in Arabidopsis. **Plant Physiol**. 163(1):431-40 <https://doi.org/10.1104/pp.113.221713>.
4. **G Perrella**, MA Lopez-Vernaza, C Carr, E Sani, V Gosselé, C Verduyn, F Kellermeier, MA Hannah, A Amtmann (2013) Histone Deacetylase Complex1 expression level titrates plant growth and abscisic acid Sensitivity in Arabidopsis. **Plant Cell**. 25(9):3491-505 <https://doi.org/10.1105/tpc.113.114835>
5. **G Perrella**, C Carr, MA Asensi-Fabado, N Donald, K Paldi, MA Hannah, A Amtmann (2016) The Histone Deacetylase Complex 1 Protein of Arabidopsis has the capacity to interact with multiple proteins including histone 3-binding proteins and histone 1 variants. **Plant Physiol**. 171(1):62-70 <https://doi.org/10.1104/pp.15.01760>.

6. MA Asensi-Fabado, A Amtmann, **G Perrella** (2016) Plant responses to abiotic stress: The chromatin context of transcriptional regulation. **BBA-Gene Regul. Mech.** 860(1):106-122. <https://doi.org/10.1016/j.bbagr.2016.07.015>.
7. **G Perrella** and E Kaiserli (2016) Light behind the curtain: photoregulation of nuclear architecture and chromatin dynamics in plants. **New Phytol.** 212(4):908-919. <https://doi.org/10.1111/nph.14269>.
8. **G Perrella**, MLH Davidson, L O' Donnell, AM Nastase, P Herzyk, G Breton, JL Pruneda-Paz, SA Kay, J Chory, E Kaiserli (2018) ZINC-FINGER interactions mediate transcriptional regulation of hypocotyl growth in Arabidopsis. **Proc. Nat. Acad. Sci. USA.** 115(19): E4503-E4511. <https://doi.org/10.1073/pnas.1718099115>.
9. L. van der Woude, **G Perrella**, BL Snoek, M van Hoogdaleme, O Novák, MC van Verkd, HN van Kootena, LE Zorna, R Tonckensa, JA Dongusa, M Praata, EA Stoutena, MCG Proveniers, E Vellutini, E Patitaki, U Shapulatov, W Kohlen, S Balasubramanian, K Ljung, AR van der Krole, S Smeekens, E Kaiserli and M van Zanten (2019) HISTONE DEACETYLASE 9 stimulates auxin-dependent thermomorphogenesis in Arabidopsis thaliana by mediating H2A.Z depletion. **Proc. Nat. Acad. Sci. USA.** 10 (116): 25343-25354. <https://doi.org/10.1073/pnas.1911694116>.
10. **G Perrella**, A Zioutopoulou, LR Headland, E Kaiserli (2020) The impact of light and temperature on chromatin organisation and plant adaptation. *J. Ex. Bot.* Vol. 71, No. 17 pp. 5247–5255 <https://doi.org/10.1093/jxb/eraa154>.
11. P Punzo, A Ruggiero, M Possenti, **G Perrella**, R Nurcato, A Costa, G Morelli, S Grillo, G Batelli (2020) DRT111/SFPS splicing factor controls Absciscic Acid sensitivity during seed development and germination. **Plant Physiol.** June 2020, Vol. 183, pp. 793–807 <https://doi.org/10.1104/pp.20.00037>.
12. **G Perrella**, A Zioutopoulou, A Hamilton, E Kaiserli (2021) Photobody Detection Using Immunofluorescence and Super-Resolution Imaging in Arabidopsis. **Methods Mol Biol.** 2297:7-19. https://doi.org/10.1007/978-1-0716-1370-2_2

Successivamente dopo attenta analisi comparata dei lavori svolti in collaborazione tra il candidato ZIBETTI Cristina ed altri coautori la Commissione rileva che i contributi scientifici del candidato sono enucleabili e distinguibili (tenuto conto, ad esempio, anche dell'attività scientifica globale sviluppata dal candidato, la Commissione ritiene che vi siano evidenti elementi di giudizio per individuare l'apporto dei singoli coautori) e unanimemente delibera di ammettere alla successiva valutazione di merito i seguenti lavori:

1. Stein-O'Brien G. L.*, Clark B. S.*, Sherman T., **Zibetti C. ***, Hu Q., Sealfon R., Liu S., Qian S., Colantuoni C., Blackshaw S., Goff L.A., Fertig E.J. (2019) Decomposing Cell Identity for Transfer Learning across Cellular Measurements, Platforms, Tissues and Species. *Cell Systems* 8, 395–411 (***generated the entire repository GSE118880**).doi: 10.1016/j.cels.2019.04.004.
2. **Zibetti C. ** ***, Liu S., Wan J., Qian J. Blackshaw S. (2019) Epigenomic profiling of retinal progenitors reveals LHX2 is required for developmental regulation of open chromatin. *Commun. Biol.*, Apr 25;2, (142) (**** first and corresponding author; *generated the entire repository GSE99818**). doi: 10.1038/s42003-019-0375-9. eCollection 2019.
3. Wang J.* **Zibetti C. * ***, Shang P., Zhang P., Sripathi S., Zhang P., Cano M., Hoang T., Xia S., Ji H., Merbs S., Zack D., Handa J., Sinha D., Blackshaw S., Qian J. (2018) ATAC-Seq analysis reveals a widespread decrease of chromatin accessibility in age-related macular degeneration. *Nat. Commun.* Apr 10; 9(1):1364. (***equal contribution; *generated the entire repository GSE99287**).doi: 10.1038/s41467-018-03856-y.
4. De Melo J., Clark B., Venkataraman A., Shiao F., **Zibetti C.**, Blackshaw S. (2018) Ldb1 and Rnf12- dependent regulation of Lhx2 controls the relative balance between neurogenesis and gliogenesis in retina. *Development.* Apr 30;145(9).doi: 10.1242/dev.159970
5. Liu S., Zibetti C., Wan J., Wang G., Blackshaw S., Qian J. (2017) Assessing the model transferability for prediction of transcription factor binding sites based on chromatin accessibility. *BMC Bioinformatics*, 18(1), 355, 2017. doi:10.1186/s12859-017-1769-7.
6. Thein T., de Melo J., **Zibetti C.**, Clark B., Juarez F., Blackshaw S. (2016) Control of lens development by Lhx2-regulated neuro-retinal FGFs. *Development*, 143:3994-4002. doi: 10.1242/dev.137760
7. De Melo J., **Zibetti C.**, Clark B., Hwang W., Miranda-Angulo A., Qian J., Blackshaw S. (2016) Lhx2 is an essential factor for retinal gliogenesis and Notch signaling. *J. Neurosci.*, 36 (8) 2391- 2405.doi: 10.1523/JNEUROSCI.3145-15.2016.
8. Salvatierra J., Lee D.A., **Zibetti C.**, Duran M., Yoo S., Newman E.A., Wang H., Bedont J.B., de Melo J., Miranda-Angulo A., Aja A., Garcia S., Garcia-Verdugo J. M., Blackshaw S. (2014) The LIM homeodomain factor Lhx2 is required for hypothalamic tanycyte specification and differentiation. *J. Neurosci.*, 34 (50) 16809-16820. doi:10.1523/JNEUROSCI.1711-14.2014.
9. De Melo J., Miki K., Rattner A., Smallwood P., **Zibetti C.**, Hirokawa K., S Monuki E., Campochiaro P, Blackshaw S. (2012) Injury-independent induction of reactive gliosis in retina by loss of function of the Lim homeodomain transcription factor Lhx2. *Proc. Natl. Acad. Sci. USA.* Mar 20;109(12):4657- 62.doi: 10.1073/pnas.1107488109.
10. Verpelli C., Piccoli G., **Zibetti C.**, Zanchi A., Gardoni F., Huang K., Brambilla D., Di Luca M., Battaglioli E.

and Sala C. (2010) Synaptic activity controls dendritic spine morphology by modulating eEF2-dependent BDNF synthesis. *J. Neurosci.* Apr28;30(17):5830-42. doi: 10.1523/JNEUROSCI.0119-10.2010.

11. Zibetti C., Adamo A., Binda C., Forneris F., Toffolo E., Verpelli C., Ginelli E., Mattevi, A. Sala. C. and Battaglioli E. (2010) Alternative splicing of the histone demethylase LSD1/KDM1 contributes to the modulation of neurite morphogenesis in the mammalian nervous system. *J. Neurosci.* 17;30(7):2521- 32. doi: 10.1523/JNEUROSCI.5500-09.2010.

Concluso l'esame dei titoli e delle pubblicazioni scientifiche presentate dai candidati, alle ore 12.00 la Commissione termina i lavori e decide di riunirsi il giorno 8/10/2021 alle ore 14.

Letto, approvato e sottoscritto.

LA COMMISSIONE:

Prof. Chiara Tonelli	dell'Università degli Studi di Milano
Prof. Michele Morgante	dell'Università degli Studi di Udine
Prof. Viola Calabrò	dell'Università degli Studi di Napoli